

ThruPLEX-FD™ Prep Kit -超敏高效的文库构建技术

单管测序文库构建技术, 适用于各种 Illumina® NGS 平台



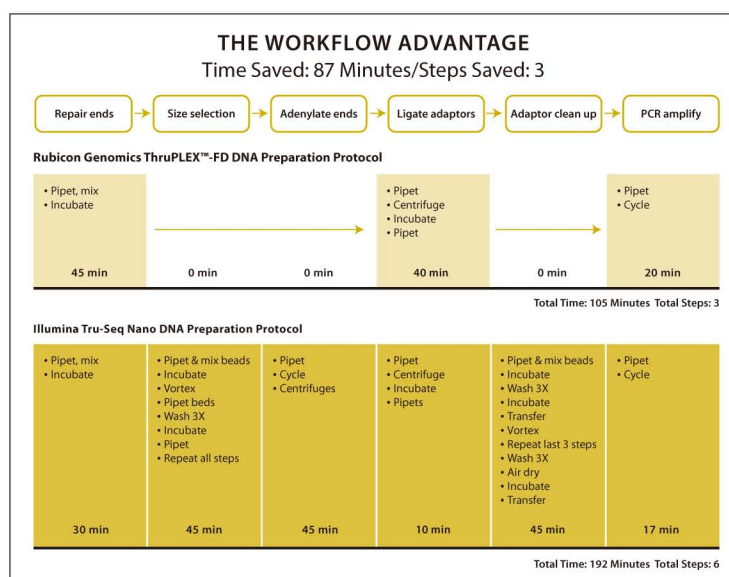
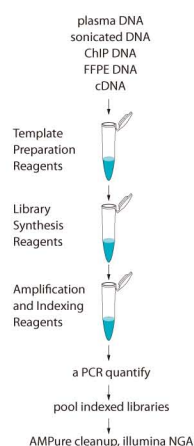
拥有专利的 ThruPLEX-FD™ Prep Kit 技术突破传统的文库制备方法, 使得 Illumina 的下一代测序方法自 DNA 或 cDNA 序列片段化后的流程得以简化。整个反应过程在一个管中完成, 反应时间少于3小时。效率, 灵敏度和反应率都大大提高。无论何种 NGS 应用, 包括 DNA 测序, RNA 测序和 ChIP-seq, ThruPLEX-FD Prep Kit 都能提供一致且可靠的结果。

*受 US7803550 和 EP1924704 专利保护

- 整个实验流程在一个管子中完成所有的 3 个步骤, 不需要转移到别的管子, 也无需清洗步骤
- 所需起始 DNA 样本量非常低, 高效的化学反应确保 DNA 成功连接
- 所需样本量范围广, 根据不同的应用, 低至 10pg 或高达 100ng 的 DNA 或 cDNA 的片段都可以
- 高质量的结果, 专有的化学反应可以降低引物二聚体形成的概率, 并且产生很低的背景噪音

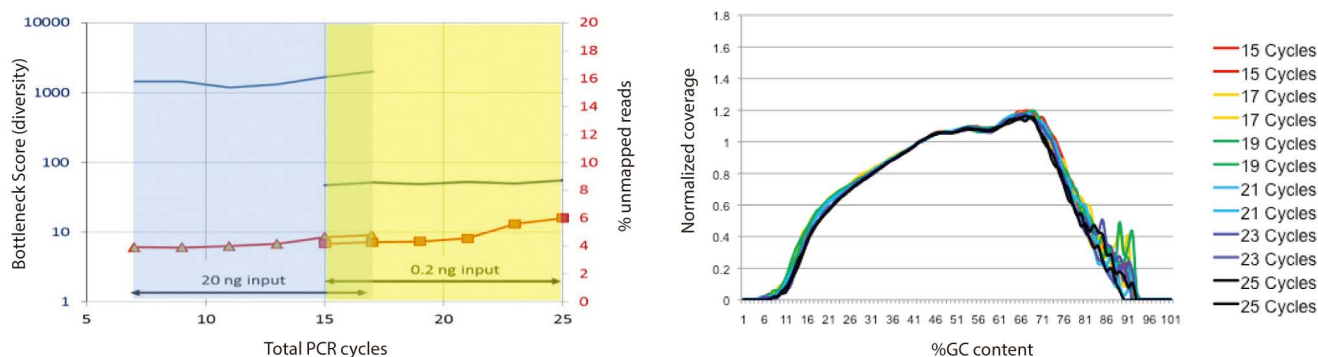
实验周期短

DNA 的修复, 连接以及扩增在一个试管中完成。一个简单的纯化操作, 就能使基因组文库用于任何的 Illumina 平台。你的样本在三小时之内就可以开始测序。



『到目前为止, 我已经使用来自于 4 公司的 5 种不同 NGS 文库构建产品, THRUPLX 所需的实验流程最容易最简单, 不仅整个实验流程通畅, 并且所需的试剂数量最少。对 THRUPLX 的工作原理的「复杂性」我深感惊讶且印象深刻。我一直使用多元 PCR 技术但在使用 THRUPLX 之前, 从未听说一个多元 PCR 反应所需要的所有酶都在一个管中且不需要纯化处理。』

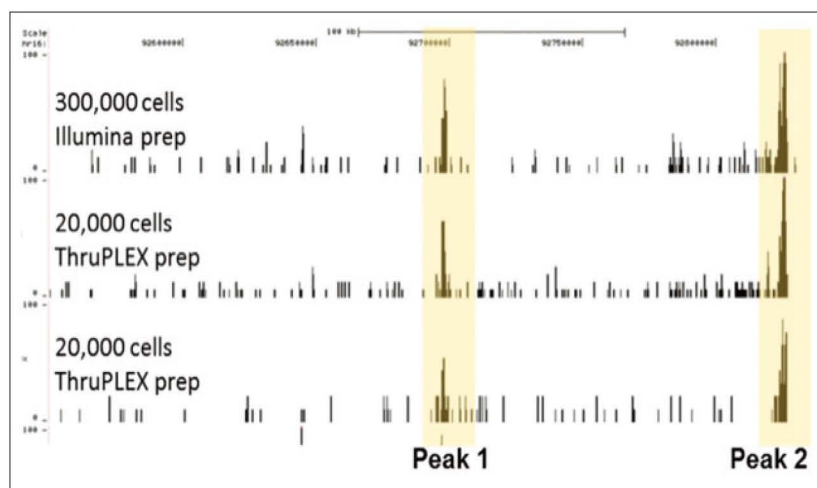
低至超微量DNA样本 (pg) 仍可轻松获取高质量高重复性的测序文库



使用 ThruPLEX Prep Kits 制备的 DNA 文库, 即使对低至 pg 数量级的 DNA 样本 (各种不同来源) 都具有高多样性。(左) ThruPLEX Prep Kit 对不同的 DNA 样本量做了优化, 且实验条件通过了广泛的实验验证。(右) 该图结果显示出高度的 GC 覆盖和实验重复性。

不仅仅用于 DNA 测序

由于需要的样本 DNA 量比较低, 所以对于本身 DNA 样品就有限的应用 (包括 ChIP-seq) ThruPLEX Prep Kit 将是一个有用的工具。ThruPLEX-FD Prep Kit 同时也可以用于 cDNA, 简化您的 RNA 测序实验。



用 ThruPLEX-FD 方法, DNA 量为 50-200pg 的样本与使用 Illumina ChIP-seq kit, 来自 300,000 个细胞沉淀得到的 10ng DNA 样本, 在使用相同的抗体前提下, 有 92% 的峰是一致的。数据由贝勒医学院 (Baylor Medical College) 提供。

『我们使用 THRUPLEX 的文库构建的经验是极其正面的。在 RUBICON 公司和我们的双手上都被证明能够产生高质量, 多样化的 DNA 文库, 即使起始 DNA 样本量比我们使用的其它产品少10倍。该技术真正使得以前用其它技术不能分析的样品得以研究和分析。』

— HENRY LONG, PH.D., ASSOCIATE DIRECTOR
CENTER FOR FUNCTIONAL CANCER EPIGENETICS, DANA-FARBER CANCER INSTITUTE

订购信息

ThruPLEX™-FD Prep Kit Cat. # R40012 12 reactions 12 indexes Cat. # R40048 48 reactions 12 indexes
试剂盒含有用于 Illumina® 仪器平台扩增片段 DNA 或者 cDNA 所需的所有试剂, 包括索引寡核苷酸序列。

参考文献：

1. Kim, Tae-Hee, et al. 2014. "Broadly Permissive Intestinal Chromatin Underlies Lateral Inhibition and Cell Plasticity." **Nature** (January 12).
2. Housheng Hansen et al. Refined DNase-seq protocol and data analysis reveals intrinsic bias in transcription factor footprint identification. **Nat Methods**. 2014 Jan;11(1):73-8.
3. Mira Jeong et al. Large conserved domains of low DNA methylation maintained by Dnmt3a. **Nat Genet**. 2014 Jan;46(1):17-23.
4. Murtaza M et al. Non-invasive analysis of acquired resistance to cancer therapy by sequencing of plasma DNA. **Nature**. 2013, May 2;497(7447):108-12.

订购请联系

地址：上海市都市路3800号195栋1F
电话：021-31395792
传真：021-62211390
邮编：201108
Email: info@rockgenebio.com

RockGene
Serve life sciences heart and soul
诺晶生物